

## **Análisis de un posible cuello de botella sobre la variabilidad en un núcleo genético de ovinos Pampinta**

**Domínguez, Jaqueline Araceli**

Director: Maizon, Daniel Omar

Co-Directora: Gigli, Isabel

La variabilidad genética es un bien muypreciado en la cría de animales. Esto es así pues la mejora genética de una raza depende de la misma. Varios factores hacen que una población pierda varianza genética, entre ellos la consanguinidad es la más destacada. Pero fenómenos como el cuello de botella, una abrupta pérdida de genes, que lleva a una población a una rápida pérdida de variabilidad genética. En la cabaña Pampinta de la EEA Anguil, una serie de circunstancias llevaron a una muy intensa reducción del número de reproductores entre los años 2005 y 2007. Como esto es causante de cuello de botella, el objetivo de la TFG fue evaluar si tal cuello de botella existió y que efectos causó en caracteres reproductivos y productivos de la majada. Se empleó la genealogía de la cabaña y la información contenida en la base de datos de la EEA Anguil para realizar el estudio. Se demostró que hubo un aumento de la consanguinidad a partir del año 2003. Asimismo, que los tamaños efectivos de fundadores y de ancestros disminuyeron a partir del año 2006. Como así también que el cociente entre estos dos últimos, un indicador de cuello de botella, efectivamente tuvo picos en los 2008 y 2012. A su vez, esto se acompañó de pérdida de la varianza genética aditiva para caracteres como peso al nacer y peso al destete para los reproductores luego del año 2007. Todos lo cual permite concluir que no sólo hubo un cuello de botella, sino que a su vez causó efectos como lo son la pérdida de varianza. Ciertamente, el fenómeno fue originado por varias causas, aunque se puede indicar que el manejo de los apareamientos, el uso de pocos padres, así como la importante disminución del tamaño de la majada fueron fundamentales en la manifestación del cuello de botella.

## **Efecto de la fecha de siembra, la densidad de siembra y la fertilización con N y P sobre el desarrollo de enfermedades foliares en el cultivo de maíz en la región semiárida pampeana central**

**Giménez Ricci, Bautista y Ríos Rodríguez, Remigio Martín**

Directora: Figueruelo, Andrea Mariana

Co-Director: Funaro, Daniel Oscar

EDurante la campaña 2014-15 se evaluó el efecto de diferentes manejos en el cultivo de maíz sobre el desarrollo de enfermedades. Para lograr el objetivo se implantó un ensayo en condiciones de campo en micro parcelas experimentales en la E.E.A INTA Anguil "Ing. Agr. Guillermo Covas". El híbrido seleccionado fue el DK 72-10. Las variables de manejo fueron dos fechas de siembra (Octubre y Diciembre), 3 densidades de siembra (15.000 pl.ha<sup>-1</sup>, 30. pl.ha<sup>-1</sup> y 72.000 pl.ha<sup>-1</sup>) y 2 niveles de fertilización con Nitrógeno y Fósforo (0 Kg de FDA y 0 Kg de urea (Testigo) y 115 Kg de FDA y 320 Kg de urea. Se registró la incidencia foliar, incidencia individual y severidad de las enfermedades presentes en el estado de R3 (grano pastoso). Las escalas utilizadas en la evaluación de las enfermedades fue la propuesta por Peterson et al. (1948) como porcentaje de la hoja con síntoma. Las enfermedades observadas fueron la roya común del maíz *Puccinia sorghi* Schwein y el tizón foliar causado por *Exserohilum turcicum* (Syn. *Helminthosporium turcicum*). La incidencia

y severidad de ambas enfermedades en la fecha de siembra temprana fueron muy bajas. La incidencia foliar e individual de roya común fue del 100 % para la segunda fecha de siembra en todos los tratamientos evaluados. Hubo interacción altamente significativa entre la fecha de siembra y la densidad y entre la fecha de siembra y la fertilización para la severidad de roya común. La mayor severidad se registró con densidades de siembra de 15.000 pl.ha<sup>-1</sup> y 30.000 pl.ha<sup>-1</sup> y alta fertilización.